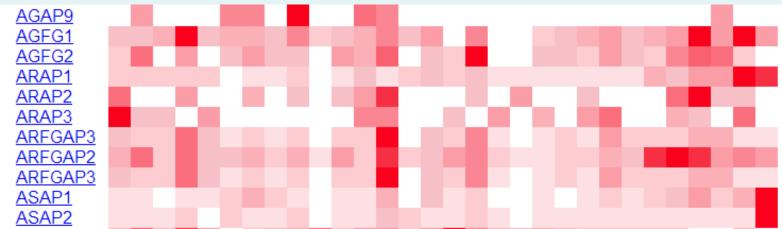
Adult urinary bladder Adult adrenal gland Adult frontal cortex Adult esophagus Adult gallbladder Adult pancreas Adult prostate Adult rectum Adult kidney Adult spinal Adult colon Adult retina Adult ovary Adult testis Adult heart etal testis etal brain Adult lung Adult liver Placenta CD8+T

ACAP2

Chapitre 4 : Du génome au protéome : l'expression du patrimoine génétique



Chapitre 4 : Du génome au protéome : l'expression du patrimoine génétique

Comment les protéines sont-elles produites à partir de l'information portée par des gènes ?

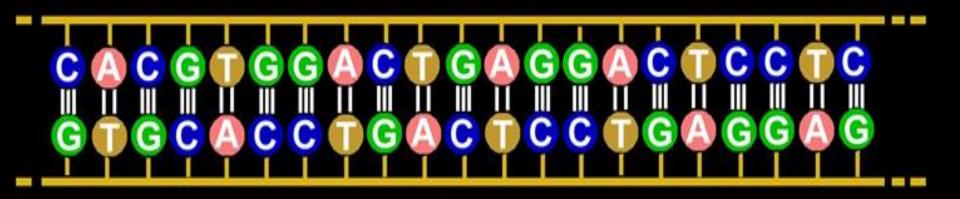
Chapitre 4 : Du génome au protéome : l'expression du patrimoine génétique

I. La relation entre les gènes et les protéines

Cf activité 7

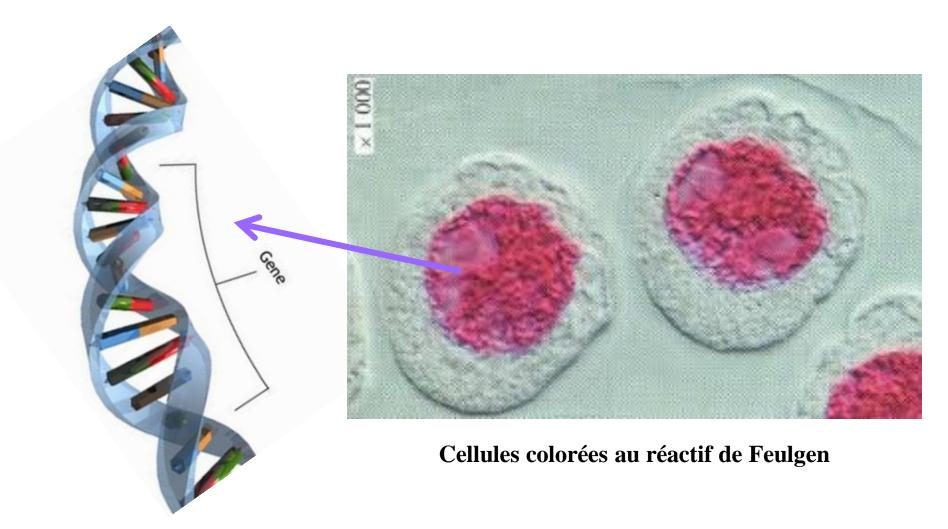
A Localisation des gènes et des protéines dans la cellule

Un gène = une séquence de nucléotides



Un gène détient une information codée par une séquence de nucléotides

Localisation des gènes dans la cellule



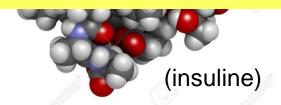
Les protéines : un assemblage d'acides aminés



Liste des 20 acides aminés				
acide aspartique	ASP	D		
acide glutamique	GLU	E		
alanine	ALA	A		
arginine	ARG	R		
asparagine	ASN	N		
cystéine	CYS	C		
glutamine	GLN	Q		
glycine	GLY	G		
histidine	HIS	H		
	TT T	7		

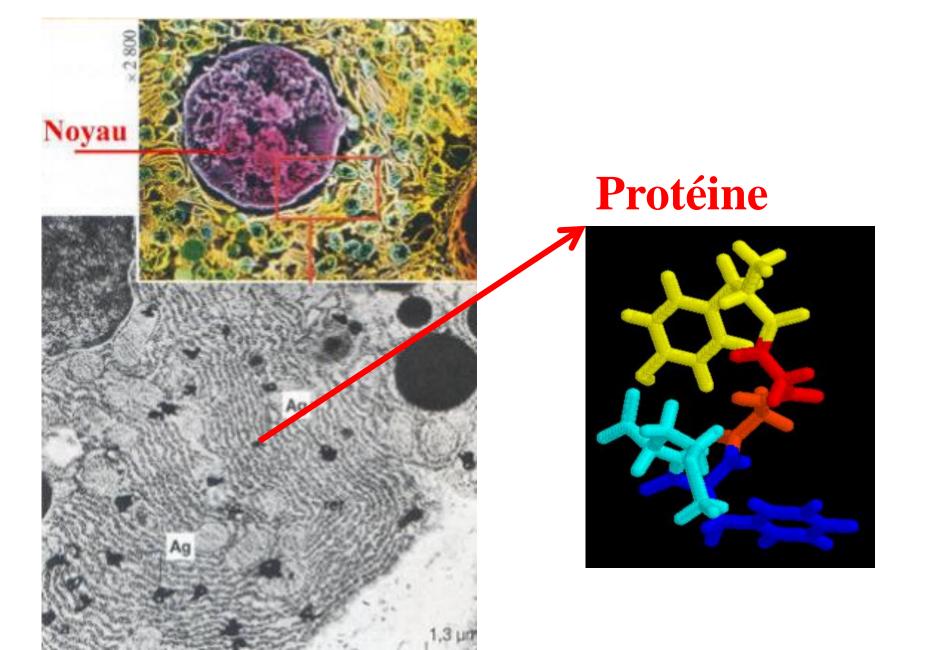


Une protéine est constituée d'une succession d'Acides Aminés



sérine	SER	S
thréonine	THR	T
tryptophane	TRY	W
tyrosine	TYR	Y
valine	VAL	V

Localisation de la synthèse des protéines



Chapitre 4 : Du génome au protéome : l'expression du patrimoine génétique

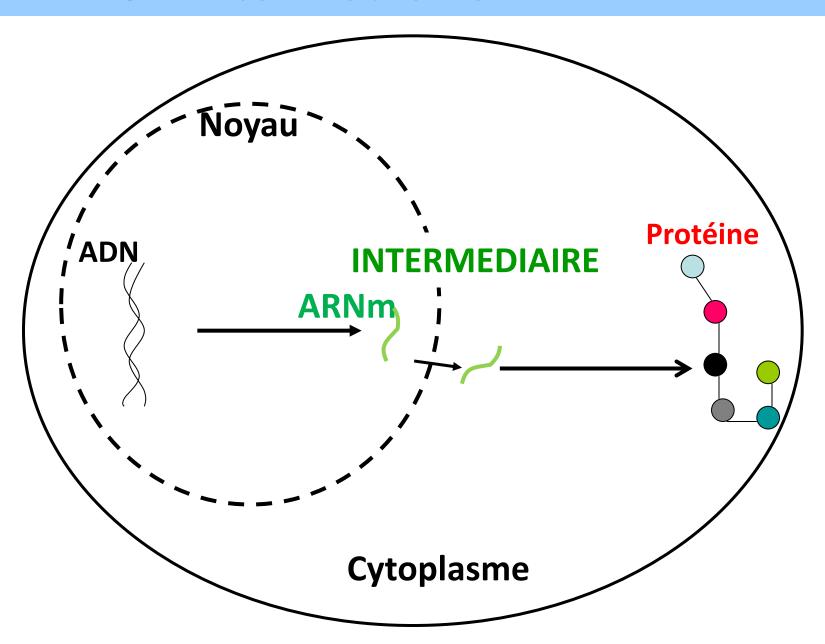
I. La relation entre les gènes et les protéines

Cf activité 7

A Localisation des gènes et des protéines dans la cellule

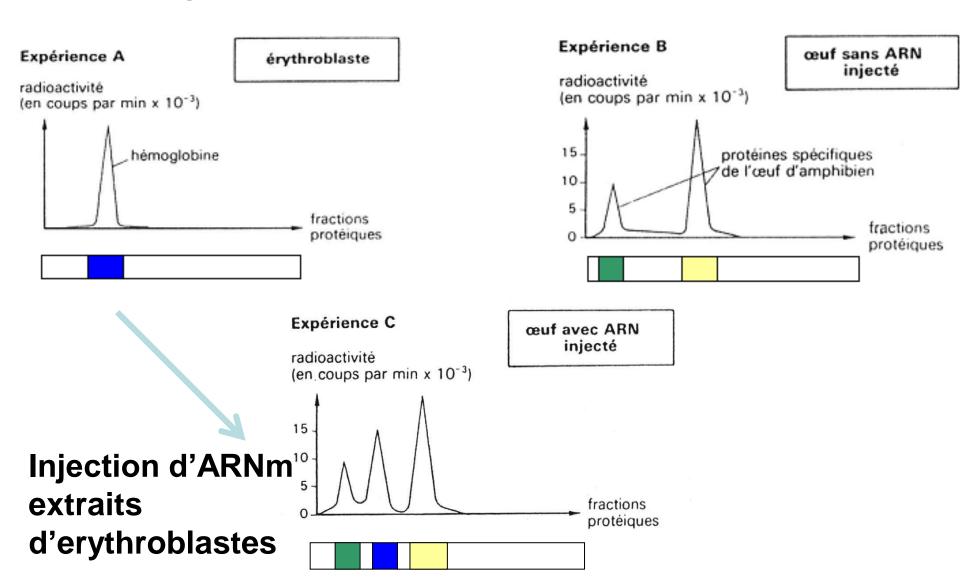
B) L'ARNm, un intermédiaire entre le noyau et le cytoplasme

Un intermédiaire : l'ARNm



Confirmation du rôle des ARNm

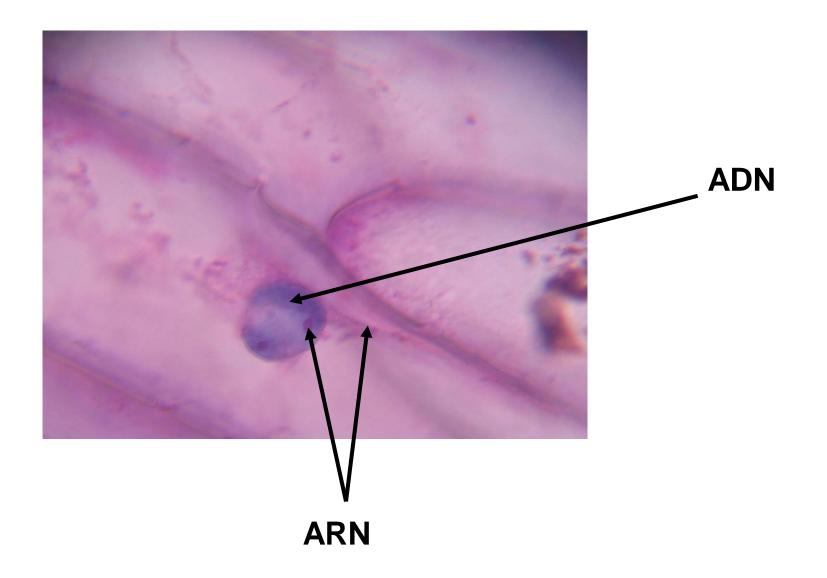
- Cellules placées en présence d'acides aminés radiomarqués
- Chromatographie et suivi de la radioactivité



Les caractéristiques qui font de l'ARNm un messager intermédiaire

- Il est **mobile** : capable de sortir du noyau et de se déplacer jusque dans le cytoplasme

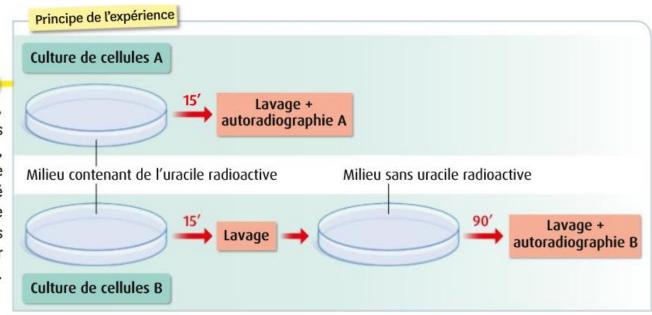
Localisation des acides nucléiques dans la cellule



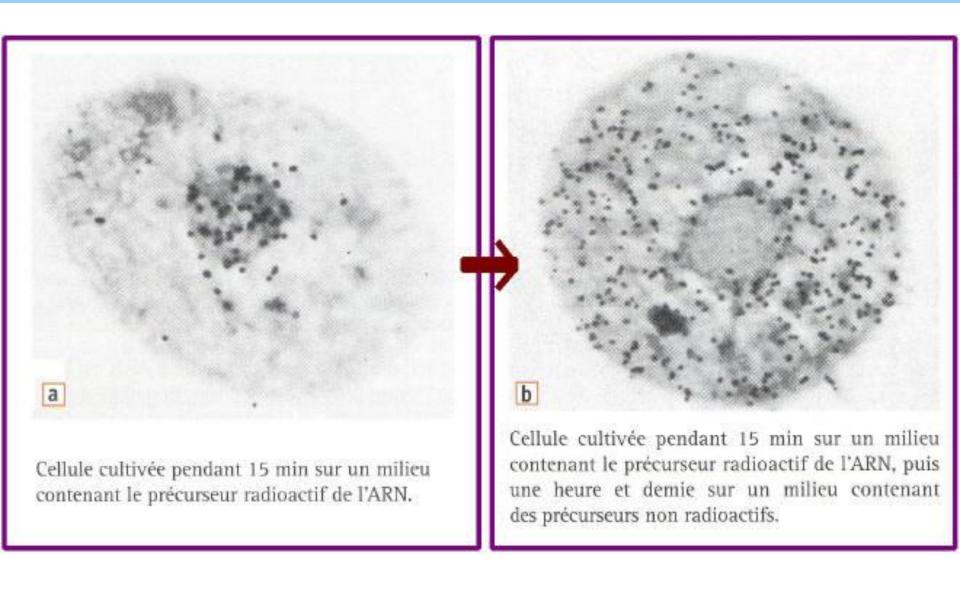
Une expérience d'autoradiographie (1)

Une expérience de pulse-chase 4 suivie d'autoradiographie.

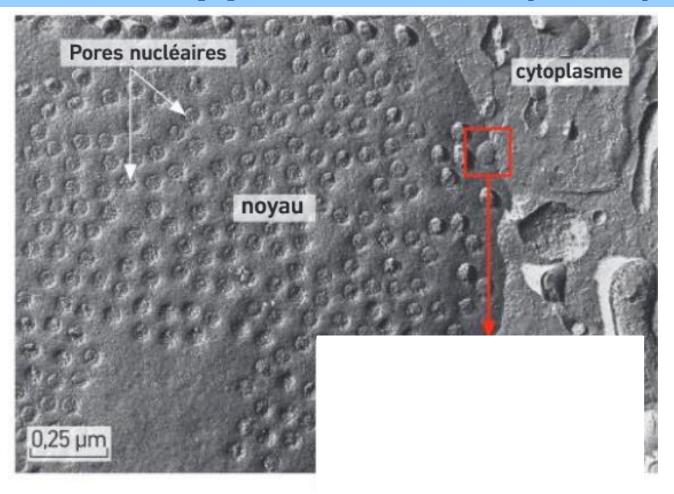
Ce type d'expérience a été effectué dans les années 1960. En fin d'expérience, chaque culture est photographiée à l'aide d'une plaque sensible à la radioactivité (autoradiographie). Là où l'uracile radioactive a été incorporée dans des molécules, on observe des grains noirs sur la photographie.



Une expérience d'autoradiographie (2)

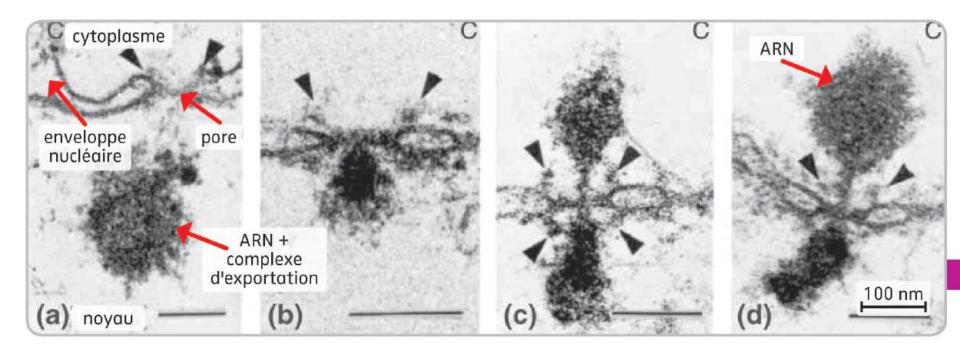


Enveloppe nucléaire (MEB)

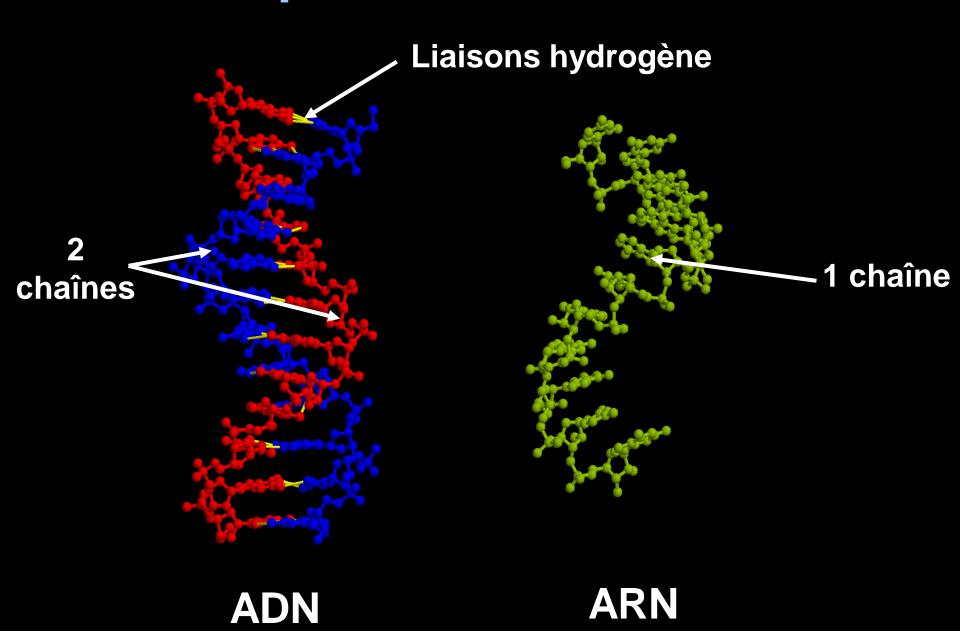


Détail de l'enveloppe nucléaire (observation au MEB après cryodécapage*) et détail observé au MET*.

Electronographies du transfert de l'ARN (MET)



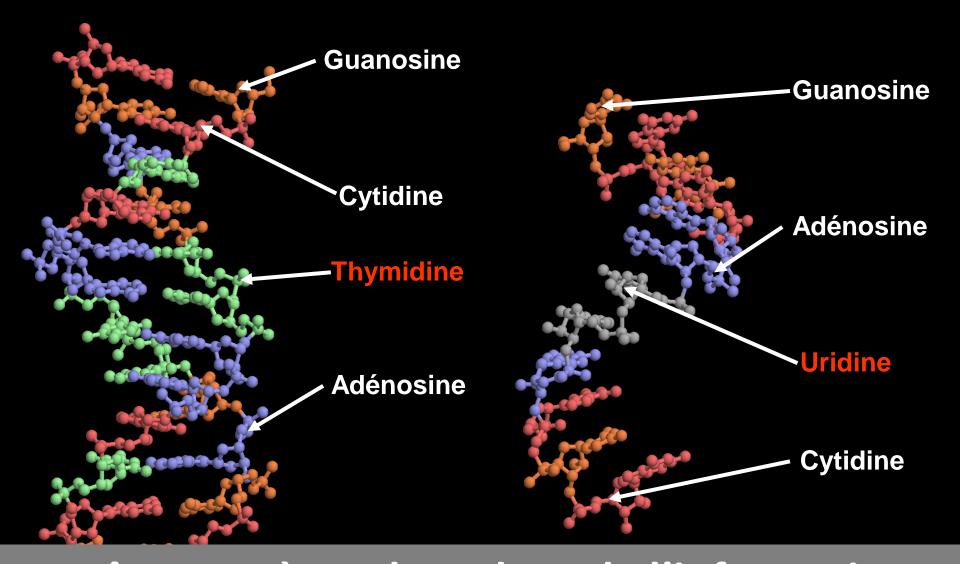
Comparaison ADN / ARN



Les caractéristiques qui font de l'ARNm un messager intermédiaire

- Il est **mobile** : capable de sortir du noyau et de se déplacer jusque dans le cytoplasme

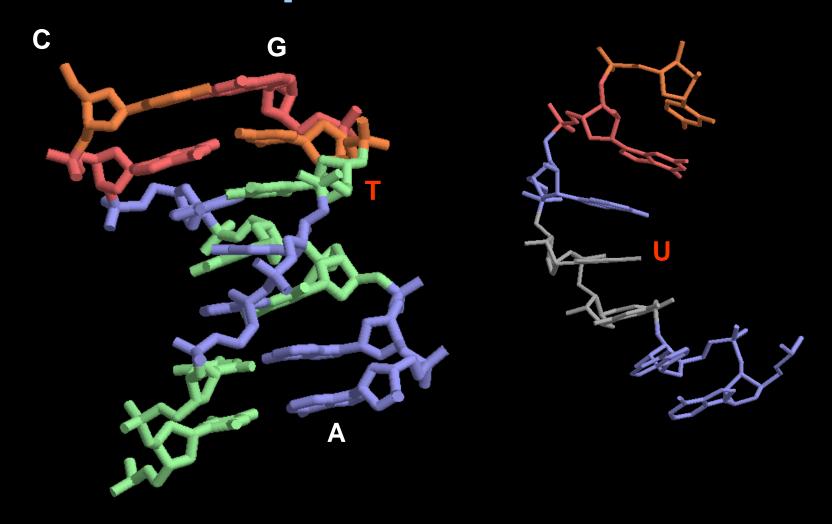
- Il porte un **message** : la même information que le gène



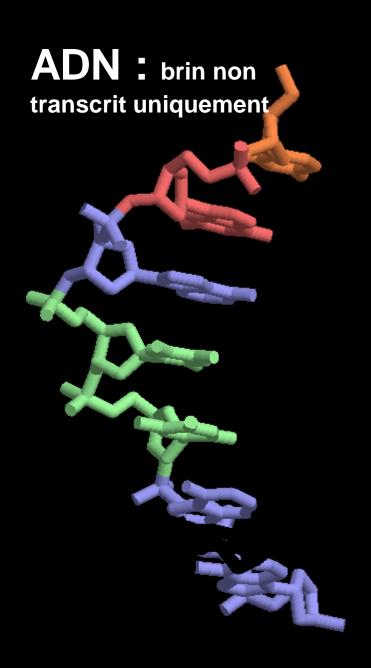
Même système de codage de l'information

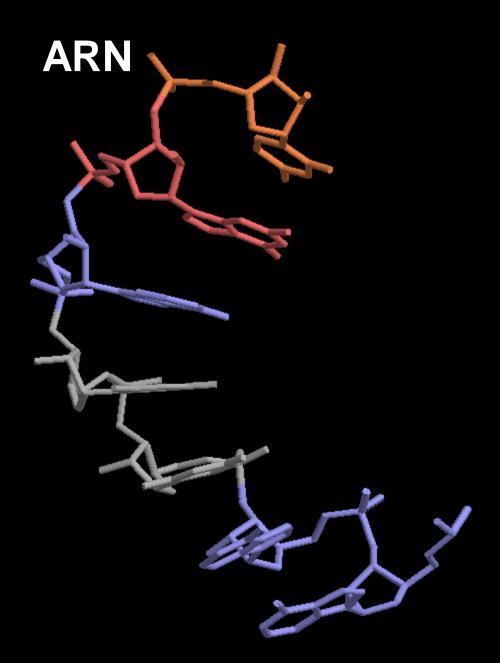
ADN ARN

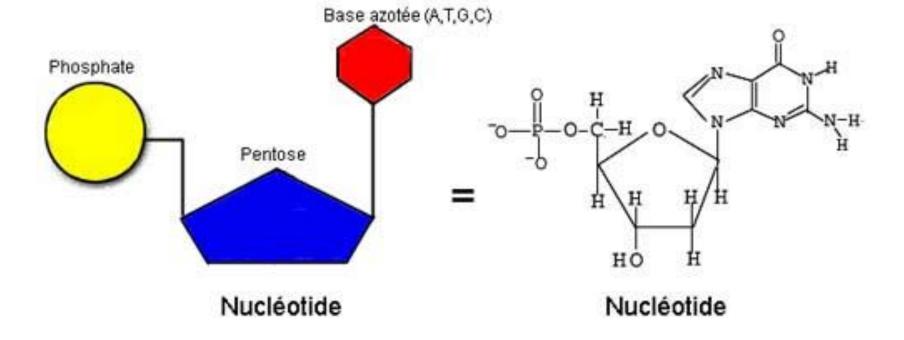
Comparaison ADN / ARN



ADN ARN

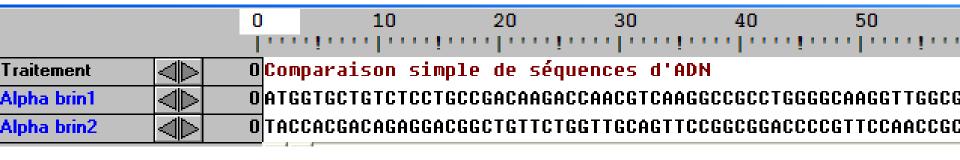






Nom du nucléotide	Nom de la base azotée
Adénosine	Adénine
Thymidine	Thymine
Uridine	Uracile
Guanosine	Guanine
Cytidine	Cytosine

Comparaison des séquences des 2 brins de la molécule d'ADN



Comparaison des séquences du brin 1 de l'ADN et de l'ARN

L'ARNm est identique (sf U/T) à l'un des brins de l'ADN = brin non transcrit de l'ADN

Alpha AKNM coda

Comparaison des séquences du brin 2 de l'ADN et de l'ARN

L'ARNm est complémentaire à l'autre brin de l'ADN = brin transcrit de l'ADN

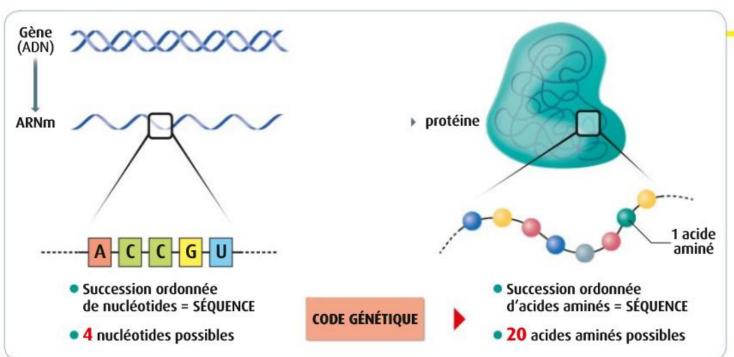
Chapitre 4 : L'expression du patrimoine génétique

I. La relation gènes/protéines

- A. Localisation des gènes et des protéines dans la cellule.
- B) L'ARNm, un intermédiaire entre le noyau et le cytoplasme

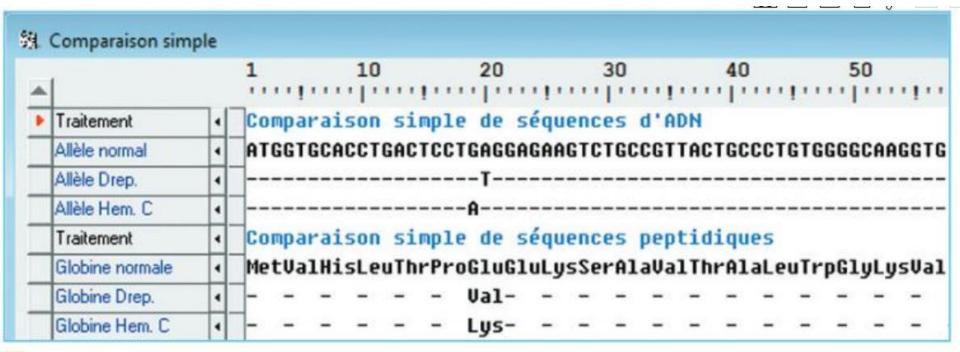
C) Le code génétique, un système de correspondance ARN/protéines

Correspondance ARN / Protéine



La notion de code génétique. À la fin des années 1950, les biologistes savent que les protéines sont faites d'un assemblage d'acides aminés. Ils cherchent à comprendre le code génétique, c'est-à-dire le système qui fait correspondre une succession ordonnée de nucléotides sur l'ARNm d'un gène et une succession ordonnée d'acides aminés sur la protéine qu'il code.

Correspondance ADN / Protéine



Comparaison de la séquence des nucléotides de trois allèles codant pour la globine β et des séquences d'acides aminés correspondantes.

Correspondance ARN / Protéine

ADN / ARN : Protéine :

Séquence de nucléotides Séquences d'acides aminés (20 acides aminés différents)

1 triplet de nucléotides (codon)

correspond à 1 acide aminé

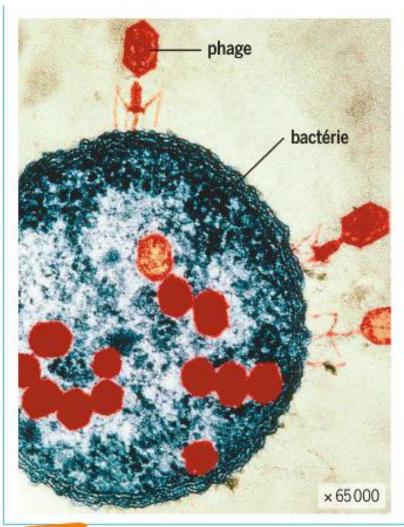
> 4x4=16 possibilités

Si 3 nucléotides → 1 Acide Aminé => 4x4x4=64 possibilités

Système de correspondance entre codons et acides aminés : le code génétique

		2° nucléotide									
			U		С		A		G		
		UUU	phénylalanine	UCU	sérine	UAU	tyrosine	UGU UGC	cystéine	C	
	U	UUA	leucine	UCA UCG	Semie	UAA	codon(s) stop	UGA UGG	codon(s) stop tryptophane	A G	
9		CUC	leucine	CCC	proline	CAU	histidine	CGU	arginine	C	63
nucléotide	С	CUA	ledelile	CCA CCG	proline	CAA CAG	glutamine	CGA CGG	arginine	A G	3° nuc
1°r nuc	Α	AUU	isoleucine	ACC	– thréonine –	AAC	asparagine	AGU AGC	sérine	C	nucléotide
		AUA AUG	méthionine	ACA ACG		AAA AAG	lysine	AGA AGG	arginine	A G	ě
	G	GUU	valine	GCU GCC	alanine	GAU GAC	acide aspartique	GGU GGC	glycine	C	
		GUA GUG	valine	GCA GCG	alamine	GAA GAG	acide glutamique	GGA GGG	giyonie	A G	

Des expériences qui ont permis de casser le code génétique



Les phages sont des **virus** qui infectent des bactéries et s'y multiplient (*photographie ci-contre*), ce qui aboutit à la destruction de ces dernières.

En 1961, Crick et son équipe ont obtenu, en utilisant des **agents mutagènes**, divers phages portant des mutations par addition ou délétion sur un gène impliqué dans l'infection des bactéries. Ces phages ont été classés en fonction du nombre de nucléotides supprimés ou ajoutés dans le gène. Crick a alors recherché une relation avec le caractère infectieux du phage ainsi muté.

Mutations	Virulence
addition d'un nucléotide	non infectieux
addition de deux nucléotides	non infectieux
addition de trois nucléotides	infectieux
addition de quatre nucléotides	non infectieux
addition de six nucléotides	infectieux
délétion d'un nucléotide	non infectieux
addition et délétion d'un nucléotide	infectieux
délétion de trois nucléotides	infectieux

Remarque: Crick suppose que, si une mutation ne modifie qu'un ou deux acides aminés, la protéine impliquée dans l'infection reste fonctionnelle.

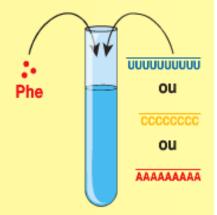
📕 La taille des « mots » du langage génétique.

Des expériences qui ont permis de casser le code génétique

En 1961, Nirenberg parvient à préparer un extrait de bactéries contenant les constituants indispensables à la synthèse de protéines. En utilisant ces extraits, il réalise une série d'expériences visant à déterminer la relation entre la séquence d'un ARN et la composition de la protéine formée.

PROTOCOLE A

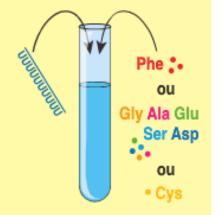
- La phénylalanine est le seul acide aminé ajouté au milieu de réaction.
- Un ARN de synthèse différent est testé dans chaque expérience : poly-U, poly-A ou poly-C.
- Au bout de 30 minutes, les protéines formées sont analysées.



ARN ajouté		Présence de Phe dans les protéines (unité relative)
	Poly-U (UUUU)	904
	Poly-A (AAAA)	1,1 (négligeable)
	Poly-C (CCCC)	0,9 (négligeable)

PROTOCOLE B

- Le seul ARN présent dans le milieu de réaction est un poly-U.
- Des acides aminés différents sont testés dans chaque expérience.
- Au bout de 30 minutes, les protéines formées sont analysées.



Acides aminés ajoutés	Présence de ces acides aminés dans les protéines (unité relative)
Phe	563
Gly, Ala, Ser, Asp, Glu	1,6 (négligeable)
Cys	1,2 (négligeable)

Doc. 2 La signification des « mots » du langage génétique.

Chapitre 4 : L'expression du patrimoine génétique

I. La relation gènes/protéines

- A. Localisation des gènes et des protéines dans la cellule.
- B) L'ARNm, un intermédiaire entre le noyau et le

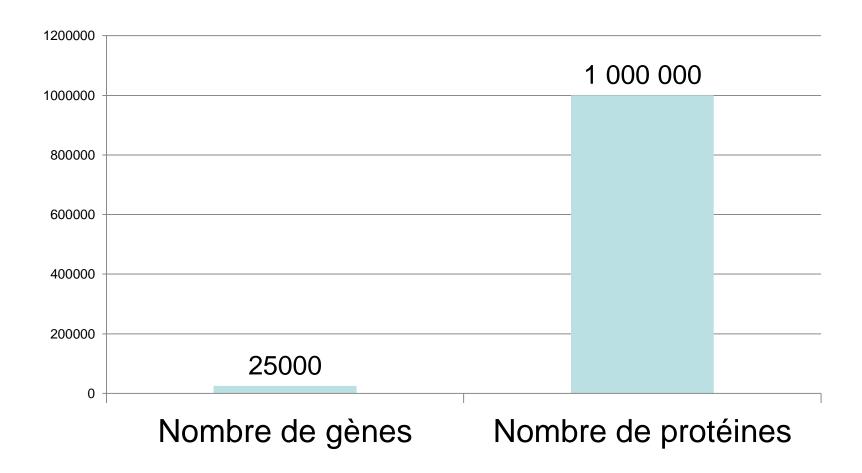
cytoplasme

C) Le code génétique, un système de correspondance ARN/protéines

II. La synthèse des protéines

Cf activité 8

Génome = protéome ???

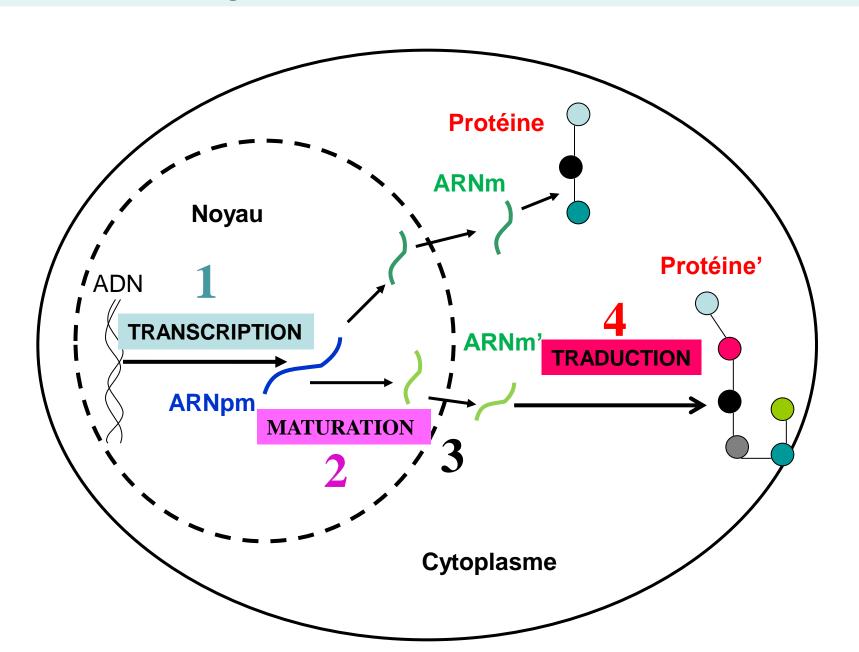


Graphique présentant le nombre moyen de gènes et de protéines chez l'Homme

Activité 8 : Un gène, des protéines

A l'aide des trois vidéos (dossier commun de la classe), construire un schéma expliquant comment plusieurs protéines peuvent être synthétisées à partir de l'information portée par un gène.

Du génome au protéome



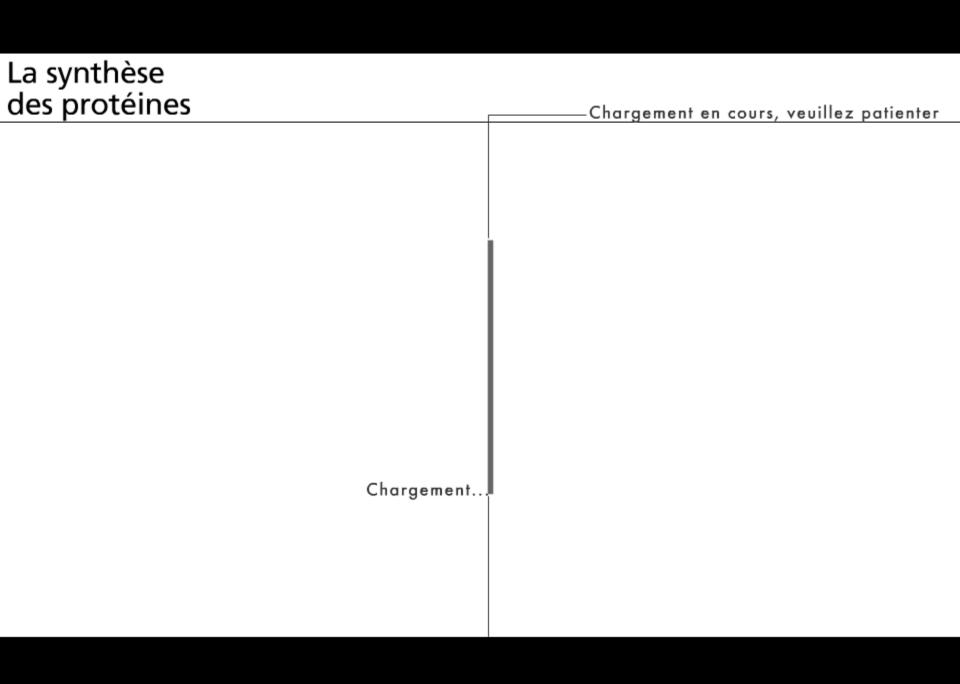
Chapitre 4 : L'expression du patrimoine génétique

I. La relation gènes/protéines

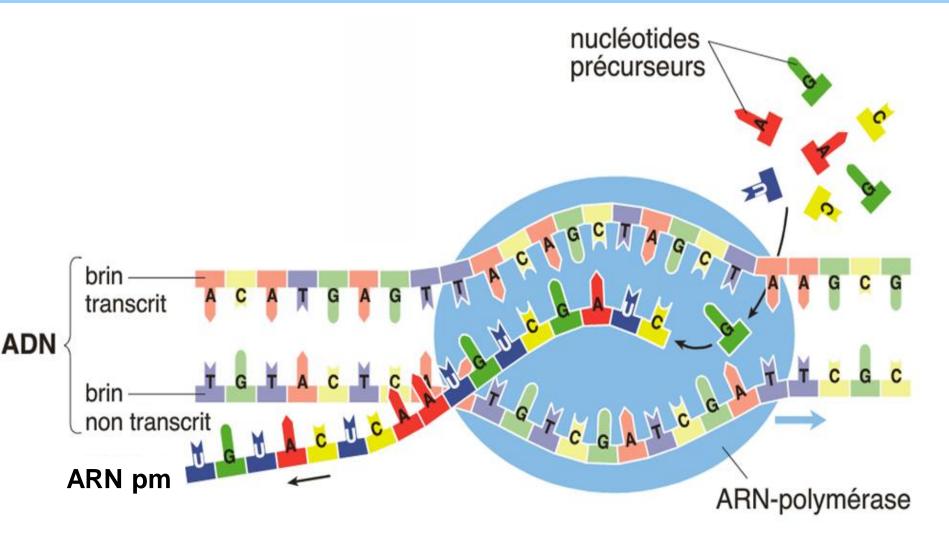
- A. Localisation des gènes et des protéines dans la cellule.
- B) L'ARNm, un intermédiaire entre le noyau et le cytoplasme
- C) Le code génétique, un système de correspondance ARN/protéines

II. La synthèse des protéines

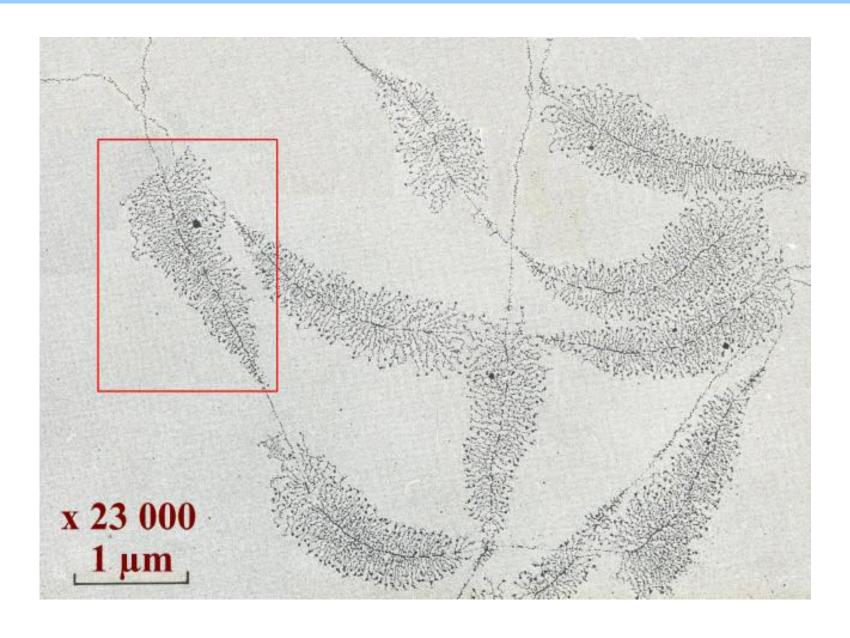
A. La transcription : fabrication de l'ARN prémessager.



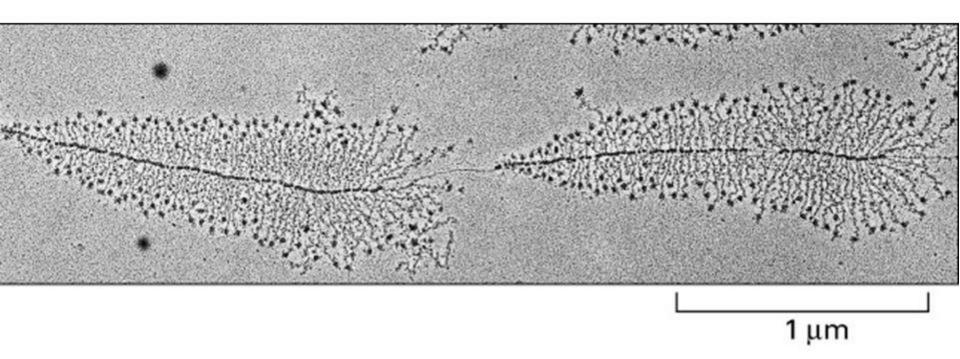
La transcription



La transcription, électronographie



La transcription, électronographie



Chapitre 4 : L'expression du patrimoine génétique

I. La relation gènes/protéines

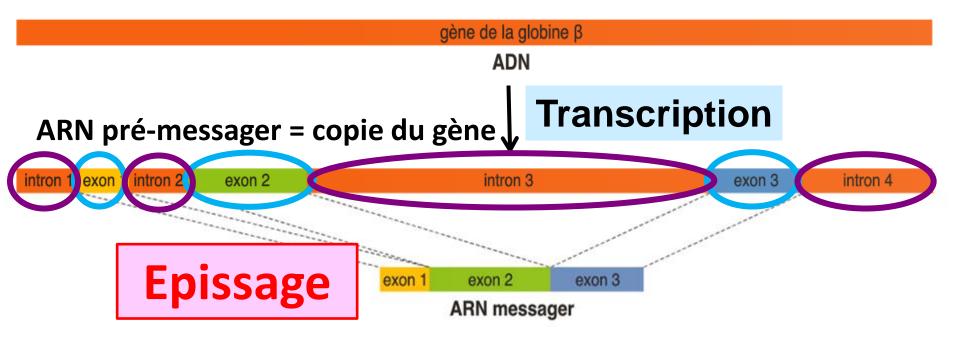
- A. Localisation des gènes et des protéines dans la cellule.
- B) L'ARNm, un intermédiaire entre le noyau et le cytoplasme
- C) Le code génétique, un système de correspondance ARN/protéines

II. La synthèse des protéines

A. La transcription : fabrication de l'ARN prémessager.

B. Maturation de l'ARN pré-messager en ARN messager(s).

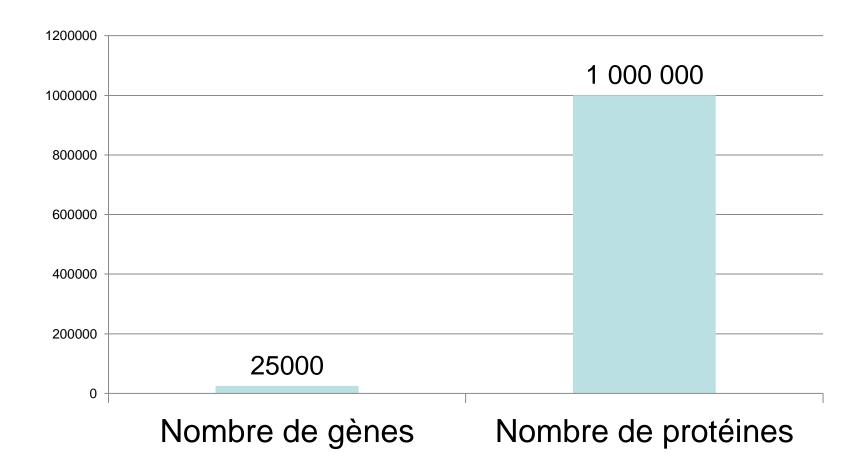
1. Le gène morcelé des eucaryotes



Parties non codantes = introns

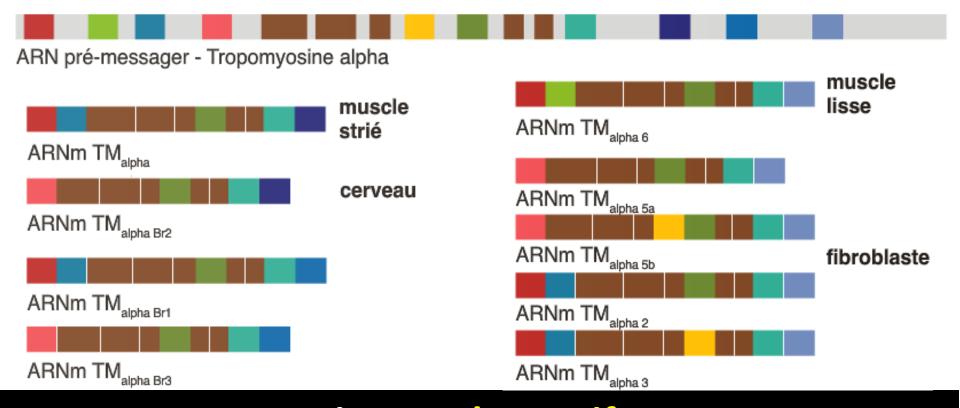
Parties codantes = exons

Génome = protéome ???



Graphique présentant le nombre moyen de gènes et de protéines chez l'Homme

2. L'épissage alternatif : 1 gène -> plusieurs protéines



Epissage alternatif =>
9 ARNm possibles à partir d'un même ARN pm

Un gène → 9 protéines

Grâce à l'épissage alternatif, chez l'homme :

(génome)

20 000 à 25 000 gènes



(transcriptome)

500 000 à 5 000 000 ARNm



(protéome)

500 000 à 5 000 000 protéines

Chapitre 4 : L'expression du patrimoine génétique

I. La relation gènes/protéines

- A. Localisation des gènes et des protéines dans la cellule.
- B) L'ARNm, un intermédiaire entre le noyau et le cytoplasme
- C) Le code génétique, un système de correspondance ARN/protéines

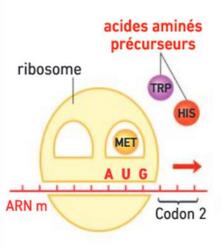
II. La synthèse des protéines

- A. La transcription : fabrication de l'ARN prémessager.
- B. Maturation de l'ARN pré-messager en ARN messager(s).

C. Traduction des ARN messagers en protéines.

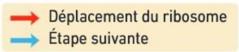
La synthèse des protéines		Changement on our to most be welledge
	1	
	chargement.	

Les étapes de la traduction

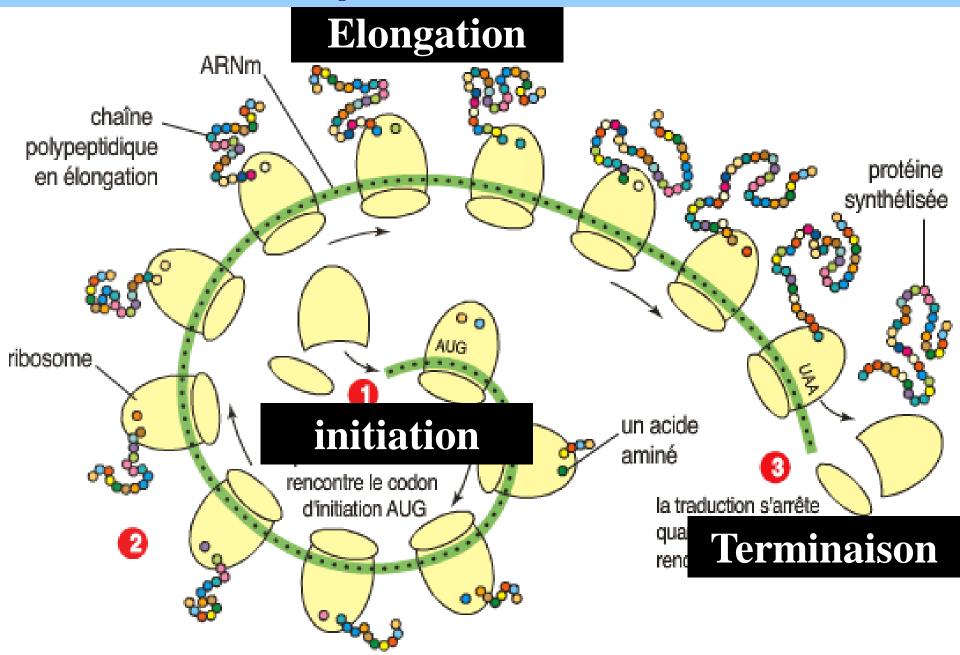


INITIATION

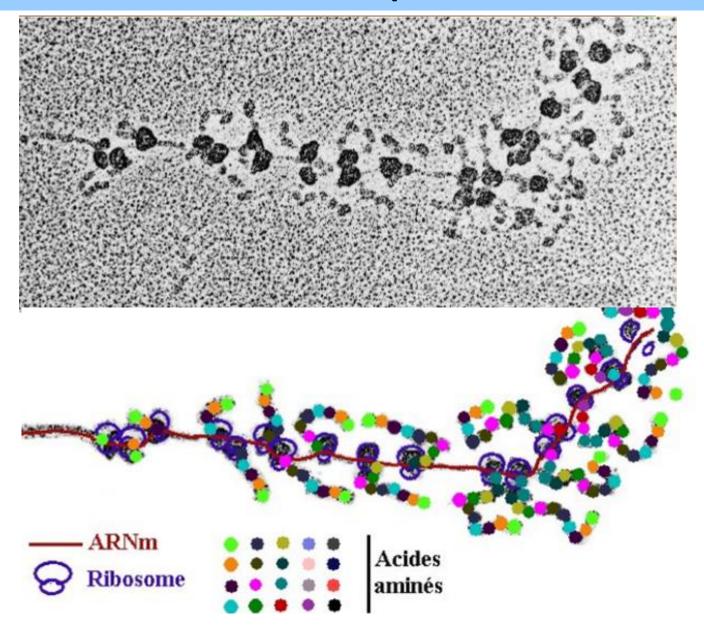
Début de la traduction au niveau du codon initiateur : AUG



Les étapes de la traduction



Les ribosomes : des organites spécialisés dans la traduction de l'ARNm en protéine



Chapitre 4 : L'expression du patrimoine génétique

I. La relation gènes/protéines

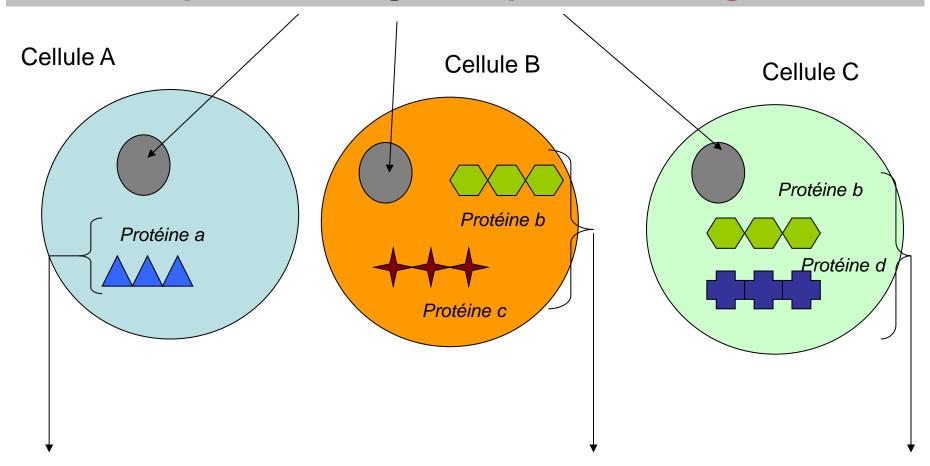
- A. Localisation des gènes et des protéines dans la cellule.
- B) L'ARNm, un intermédiaire entre le noyau et le cytoplasme
- C) Le code génétique, un système de correspondance ARN/protéines

II. La synthèse des protéines

- A. La transcription : fabrication de l'ARN prémessager.
- B. Maturation de l'ARN pré-messager en ARN messager(s).
- C. Traduction des ARN messagers en protéines.

III. La régulation de l'expression des gènes

Même patrimoine génétique = même génome



Des phénotypes moléculaires différents

= des protéomes différents

Chapitre 4 : L'expression du patrimoine génétique

I. La relation gènes/protéines

- A. Localisation des gènes et des protéines dans la cellule.
- B) L'ARNm, un intermédiaire entre le noyau et le cytoplasme
- C) Le code génétique, un système de correspondance ARN/protéines

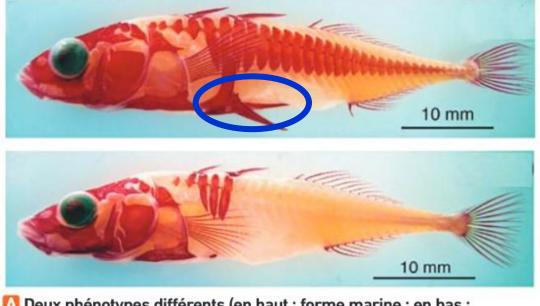
II. La synthèse des protéines

- A. La transcription : fabrication de l'ARN prémessager.
- B. Maturation de l'ARN pré-messager en ARN messager(s).
- C. Traduction des ARN messagers en protéines.

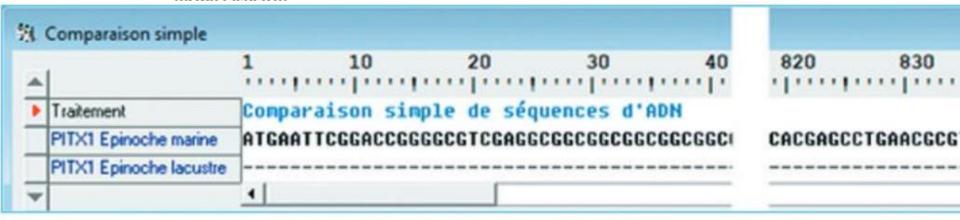
III. La régulation de l'expression des gènes

A. Régulation de l'expression des gènes par des facteurs internes

Des facteurs internes contrôlent l'expression des gènes



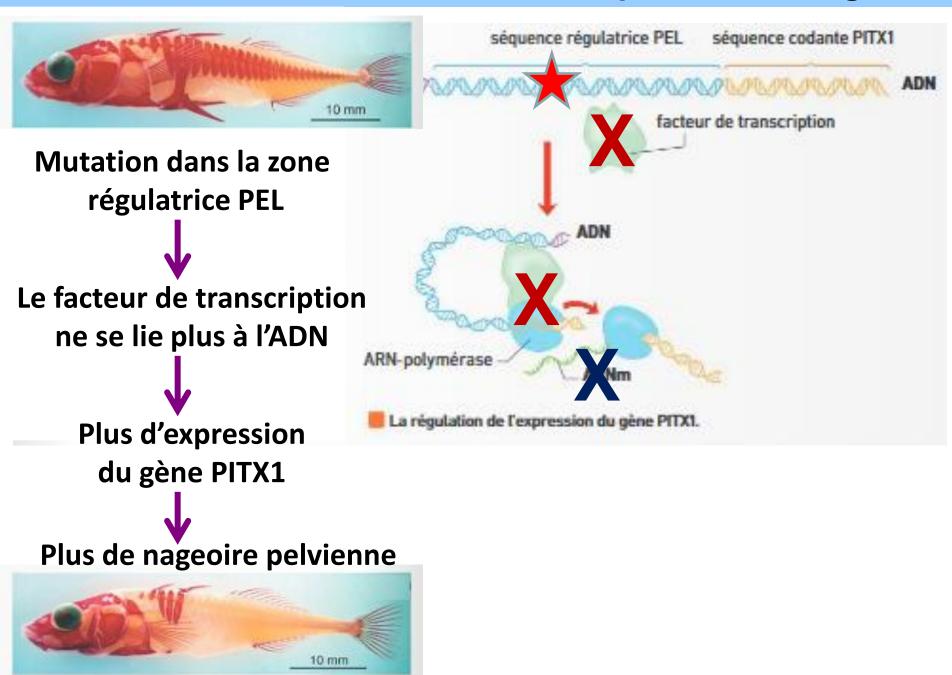
Deux phénotypes différents (en haut : forme marine ; en bas :



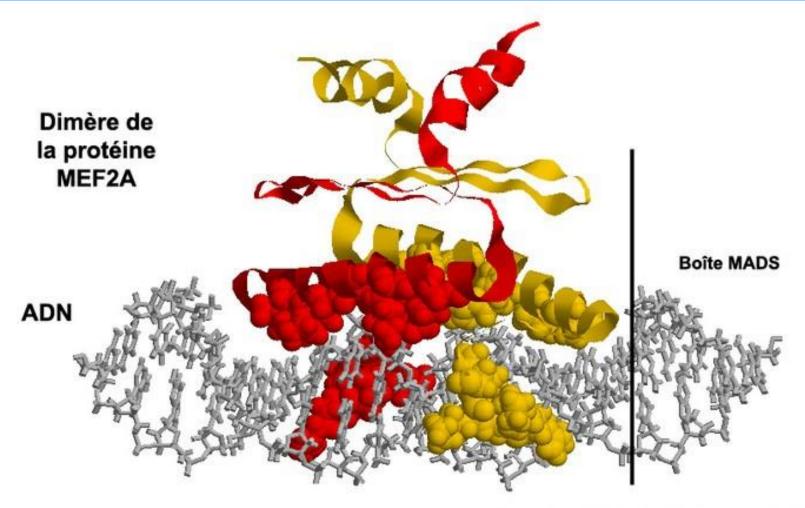
Comparaison des séquences codantes du gène chez les deux formes d'épinoches.

Les deux portions du gène affichées sont représentatives des résultats obtenus sur l'ensemble du gène.

Des facteurs internes contrôlent l'expression des gènes



Facteurs de transcription



Interaction entre le facteur de transcription à boîte MADS MEF2A et l'ADN

Les AA qui intragissent directement avec l'ADN sont représentés en sphères Ce modèle est obtenue à l'aide du logiciel RASTOP d'après le modèle PDB ID: 1C7U MEF2A (Myocyte-specific Enhancer Factor 2A) ; protéine humaine

Chapitre 4 : L'expression du patrimoine génétique

I. La relation gènes/protéines

- A. Localisation des gènes et des protéines dans la cellule.
- B) L'ARNm, un intermédiaire entre le noyau et le cytoplasme
- C) Le code génétique, un système de correspondance ARN/protéines

II. La synthèse des protéines

- A. La transcription : fabrication de l'ARN prémessager.
- B. Maturation de l'ARN pré-messager en ARN messager(s).
- C. Traduction des ARN messagers en protéines.

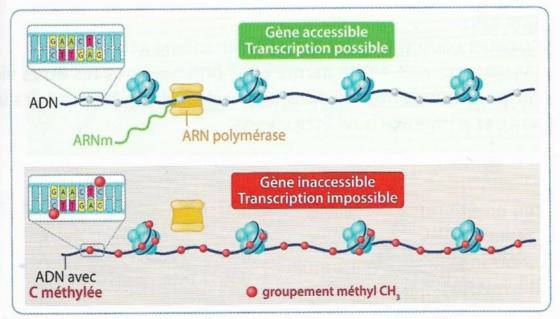
III. La régulation de l'expression des gènes

A. Régulation de l'expression des gènes par des facteurs internes

B. Régulation de l'expression des gènes par des facteurs externes

La nourriture peut modifier l'expression des gènes

Chez les abeilles, la reine et l'ouvrière sont des femelles ayant le même génome. Pourtant, la première va donner naissance à toutes les abeilles de la colonie, la seconde restera stérile. Les chercheurs ont montré que les larves nourries avec de la gelée royale deviennent des reines, alors que celles nourries avec un mélange de miel et de pollen deviennent des ouvrières.

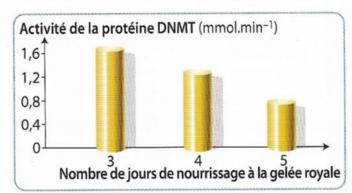


b. Un cas de perturbation de la transcription



a. Une reine entourée , de deux ouvrières

La protéine DNMT permet l'ajout d'un groupement CH₃ sur l'ADN au niveau des nucléotides : on dit qu'ils sont méthylés.



c. Activité de la protéine DNMT, quantifiée chez des larves de 6 jours, nourries pendant 3, 4 ou 5 jours à la gelée royale

Influence de la température sur l'expression des gènes

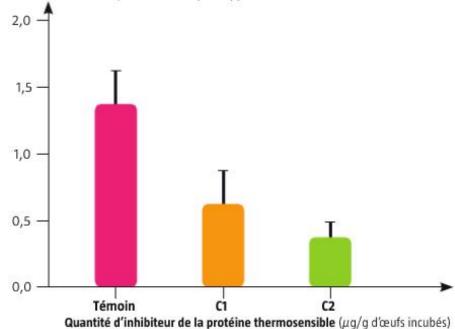


- Afin de comprendre l'action de cette protéine thermosensible et l'action de la chaleur, on l'inhibe chez des embryons en développement grâce à un agent chimique dosé selon deux concentrations C1 et C2 (C2 > C1).
- On mesure ensuite la quantité d'ARNm synthétisée dans des cellules produisant une hormone induisant la différenciation des voies génitales indifférenciées en voies génitales mâles.

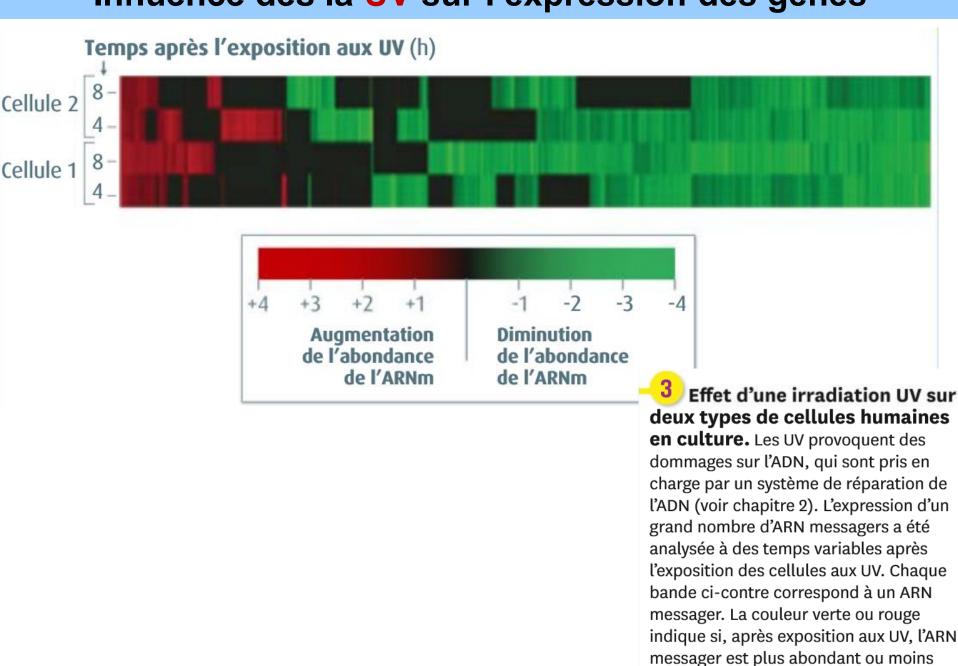
Résutats de l'expérience.

- Chez l'alligator du Mississipi, la différenciation sexuelle des gonades dépend de la température d'incubation des œufs. Une température d'incubation inférieure ou égale à 30 °C engendre une production de femelles alors qu'une température de 33 °C donne principalement des mâles.
- Une protéine thermosensible est présente dans la gonade de l'alligator en développement et elle est sensible aux températures élevées. Cette protéine influence significativement la voie de détermination du sexe gonadique masculin selon la température d'incubation.





Influence des la UV sur l'expression des gènes



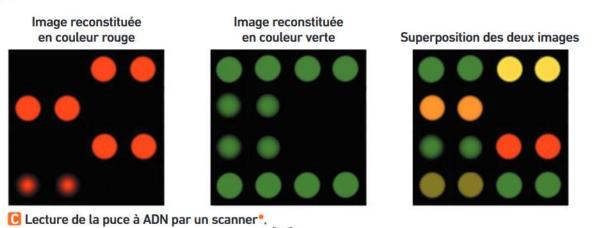
abondant qu'avant exposition.

Autres facteurs influençant l'expression des gènes

La puce à ADN permet d'évaluer l'expression des gènes

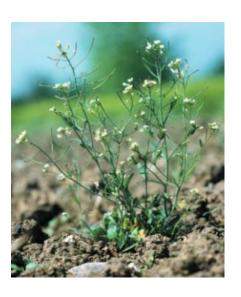
ARNm traités à identifier fluorochrome rouge extraits de cellules testées ADN monobrins de différents gènes connus (fixés) lame (puce à ADN)

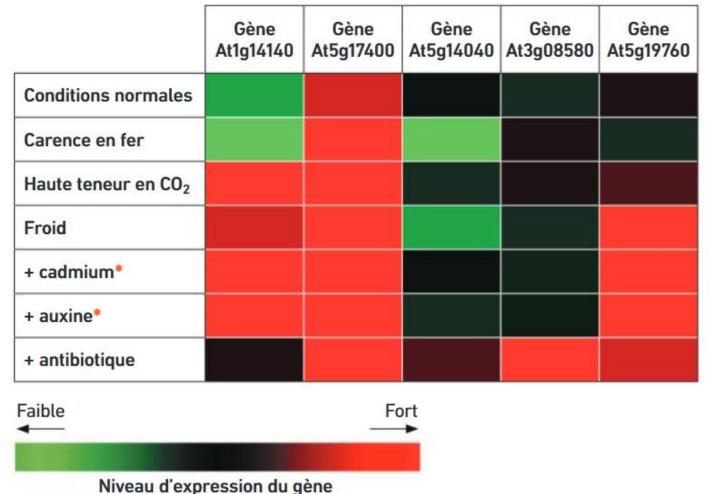
Une hybridation compétitive.



Modification de l'expression des gènes chez l'arabette des dames

Expression de 5 gènes en réponse aux conditions environnementales





Régulation de l'expression des gènes

Facteurs génétiques

Type cellulaire

Moment du développement....

